

Corso di laurea in Informatica

Introduzione agli Algoritmi

Didattica blended

Esercizi

Angelo Monti



SAPIENZA
UNIVERSITÀ DI ROMA

Esercizio 1 svolto

IDEE

Affinché ciascun nodo calcoli il suo sbilanciamento, è necessario che esso riceva opportune informazioni da entrambi i suoi figli e poi effettui il calcolo. Per questo, la funzione che dobbiamo scrivere dovrà seguire la filosofia della visita in post-ordine.

Ogni nodo restituisce al padre lo sbilanciamento massimo per i nodi nel suo sottoalbero e il numero di nodi nel suo sottoalbero.

Grazie alle informazioni ricevute dai suoi due figli il nodo padre sarà in grado di calcolare e trasmettere al padre lo sbilanciamento massimo nel suo sottoalbero e il numero di nodi nel suo sottoalbero.

La funzione restituirà al termine della visita lo sbilanciamento massimo (ed il numero di nodi dell'albero)

Esercizio 1 svolto

```
def sbilanciamento(p):  
    if p == None:  
        return 0, 0  
    maxS, nodiS=sbilanciamento(p.left)  
    maxD, nodiD=sbilanciamento(p.right)  
    massimo=max(abs(nodiS - nodiD), maxS, maxD)  
    return massimo, nodiS + nodiD + 1
```

La complessità è quella di una visita in postordine dell'albero quindi $O(n)$.

Esercizio 2

Siano dati due vettori A e B , composti da $n \geq 1$ ed $m \geq 1$ interi, rispettivamente. I vettori sono entrambi ordinati in senso crescente. A e B non contengono valori duplicati; tuttavia, uno stesso valore potrebbe essere presente una volta in A e una volta in B .

Progettare un algoritmo di complessità $O(n + m)$ che stampi i numeri che appartengono all'unione dei valori di A e di B ; l'unione va intesa in senso insiemistico, quindi gli eventuali valori presenti in entrambi i vettori devono essere stampati solo una volta.

Ad esempio, se $A = [2,3,4,6]$ e $B = [1,3,4,7]$, l'algoritmo deve stampare in qualche ordine gli elementi 1, 2, 3, 4, 6, 7.

Di tale algoritmo:

Si dia una descrizione a parole e si scriva lo pseudocodice.

Esercizio 2 svolto

Possiamo per cominciare considerare il seguente algoritmo:

1. esamina gli elementi di A uno dopo l'altro e stampa solo quelli che non compaiono in B.
2. esamina gli elementi di B uno dopo l'altro e stampali tutti.

Ad esempio per se $A = [2,3,4,6]$ e $B = [1,3,4,7]$, verrebbe stampato: 2 6 1 3 4 7.

Esercizio 2 svolto

1. considera gli elementi di A uno dopo l'altro e stampa solo quelli che non compaiono in B.
2. considera gli elementi di B uno dopo l'altro e stampali tutti.

per scoprire se un elemento di A va stampato o meno possiamo scorrere il vettore B.

Con questa implementazione l'algoritmo risulta avere complessità $O(n \cdot m)$.

Esercizio 2 svolto

1. considera gli elementi di A uno dopo l'altro e stampa solo quelli che non compaiono in B.
2. considera gli elementi di B uno dopo l'altro e stampali tutti.

Nell'implementazione precedente non abbiamo sfruttato il fatto che il vettore B è ordinato.

per scoprire se un elemento di A va stampato o meno possiamo ricorrere alla ricerca binaria in B.

Con questa implementazione otteniamo un algoritmo di costo $O(n \cdot \log m + m)$.

Esercizio 2 svolto

Nota che il miglioramento della seconda implementazione si è ottenuto sfruttando il fatto che B è ordinato ma ancora non abbiamo sfruttato il fatto che anche A lo è .

Volendo usare l'ordinamento di entrambi i vettori, potremmo proporre un algoritmo simile a quello di fusione del Mergesort, in cui si trascrive solo uno degli elementi uguali.

Un tale approccio ci porterà ad un costo computazionale di $O(n + m)$.

Esercizio 2 svolto

consideriamo un indice i che scorre A ed un indice j che scorre B che partono entrambi da 0.

Confrontiamo gli elementi $A[i]$ e $B[j]$ e operiamo in modo diverso a seconda dei casi:

se $A[i] < B[j]$ si stampa $A[i]$ e si incrementa i

se $A[i] > B[j]$ si stampa $B[j]$ e si incrementa j

se $A[i] = B[j]$ si stampa $A[i]$ e si incrementano sia i che j .

Appena uno dei due vettori termina, stampiamo tutti gli elementi dell'altro vettore.

Osserviamo che, a differenza della funzione di fusione del MergeSort, non abbiamo qui bisogno di un vettore ausiliario

Esercizio 2 svolto

Complessità $O(n + m)$

```
def Stampa_unione(A, B):
    n, m = len(A), len(B)
    i, j = 0, 0
    while i < n AND j < m:
        if A[i] < B[j]:
            print(A[i])
            i+=1
        elif A[i] > B[j]:
            print(B[j])
            j+=1
        else:
            print(A[i]); i+=1; j+=1
    while i < n: # stampa la parte finale di A
        print(A[i]); i+=1
    while j < m: # stampa la parte finale di B
        print(B[j]); j+=1
```

Esercizio 3

Abbiamo una procedura f che prende un intero $x \geq 0$ e restituisce un intero. La funzione calcolata è strettamente crescente (vale a dire $f(x) < f(x + 1)$) e sappiamo che vogliamo trovare il primo intero n non negativo per cui la funzione assume un valore non-negativo.

Ad esempio:

per $f(x) = -100 + 3x$ allora il valore da trovare è 34

Progettare un algoritmo che trova questo valore in tempo $\Theta(\log n)$. Potete assumere che la procedura f ha complessità $\Theta(1)$.

Esercizio 3 svolto

IDEA: Una semplice soluzione consiste nel cominciare a calcolare f per $x = 0$ e via via incrementare x fino ad ottenere $f(x) \geq 0$.

Ad esempio se $f(x) = -100 + 3x$ si ha:

$$f(0) = -100$$

$$f(1) = -97$$

$$f(2) = -96$$

.....

$$f(33) = -1$$

$$f(34) = 2$$

l'algoritmo è corretto ma la sua complessità è $\Theta(n)$.

Esercizio 3 svolto

IDEA: Possiamo applicare la ricerca binaria ma per poterlo fare prima dobbiamo ricavare un limite superiore all'intervallo in cui ricercare.

1. Raddoppiamo ripetutamente il valore x su cui calcolare $f()$ fino a che non giungiamo ad un x per cui $f(x) \geq 0$.
2. Appliciamo la ricerca binaria nell'intervallo $\left[\frac{x}{2}, x \right]$ alla ricerca della **soluzione** (vale a dire il minimo intero n per cui si ha $f(n) \geq 0$).

nota che $f(x) \geq 0$ mentre $f\left(\frac{x}{2}\right) < 0$ quindi l'intero n che cerchiamo è proprio tra i valori dell'intervallo $\left[\frac{x}{2}, x \right]$

Esercizio 3 svolto

1. Raddoppiamo ripetutamente il valore x su cui calcolare $f()$ fino a che non giungiamo ad un x per cui $f(x) \geq 0$.
2. Appliciamo la ricerca binaria nell'intervallo $\left[\frac{x}{2}, x\right]$ alla ricerca della soluzione

Complessità dell'algoritmo è $O(\log n)$ infatti:

1. Il passo 1 richiede tempo $\Theta(\log n)$. La prima fase termina dopo $\lceil \log n \rceil$ invocazioni della funzione f infatti a quel punto si avrà $x = 2^{\lceil \log n \rceil} \geq n$ e quindi $f(x) \geq 0$.
2. Il passo 2 richiede tempo $O(\log n)$. Infatti l'intervallo $\left[\frac{x}{2}, x\right]$ su cui applichiamo la ricerca binaria ha estensione $x - \frac{x}{2} = \frac{x}{2} \leq \frac{2^{\log n + 1}}{2} = n$.

Esercizio 3 svolto

```
def trovaPositivo(f) :
    if f(0) >= 0: return 0
    i = 1
    while f(i) <= 0: i = i * 2
    return ricercaBinaria(i//2, i)

def ricercaBinaria(i, j):
    mid = (i + j)//2
    #se f(mid) e' il primo non negativo nell'intervallo
    if f(mid) >= 0 and (mid == i or f(mid-1) < 0) :
        return mid
    if f(mid) < 0 : # f(mid) e' negativo
        return ricercaBinaria(mid + 1, j)
    else : # f(mid) è non negativo ma non il primo
        return ricercaBinaria(i, mid -1)

def f(x): return -100+3*x

>>> trovaPositivo(f)
```

34

Esercizio 4

Dato un vettore A che contiene n interi distinti e ordinati in modo crescente e due interi x e k , con $k < n$, progettare un algoritmo che stampi l'insieme dei k interi più vicini ad x presenti in A .

Nota: *se l'elemento x appartiene all'insieme non deve essere conteggiato tra quelli da stampare.*

La complessità dell'algoritmo deve essere $O(k + \log n)$.

Ad esempio per

$A = [12, 16, 22, 30, 35, 39, 42, 45, 48, 50, 53, 55, 56]$,

$x = 35$ e $k = 4$ l'algoritmo deve stampare 30, 39, 42 e 45.

Esercizio 4 svolto

Una semplice soluzione di complessità $O(n)$ è la seguente:

- 1. Scorri il vettore a partire da sinistra fino a trovare il punto di cross-over (vale a dire la posizione del primo elemento $y \geq x$ in A ($n-1$ se questo elemento non c'è) (**questa parte richiede $O(n)$**).*
- 2. confronta i numeri presenti da entrambi i lati del punto di cross-over alla ricerca dei k più vicini (**questa parte richiede $O(k)$ tempo**).*

IDEA: *sfruttiamo il fatto che il vettore A è ordinato e usiamo la ricerca binaria per trovare il punto di cross-over*

Esercizio 4 svolto

```
def trovaCrossOver(A, x):  
    i, j = 0, len(A) - 1  
    if A[i] >= x: return i  
    if A[j] <= x: return j  
    while True:  
        m = (i + j) // 2  
        if A[m] < x:  
            i = m + 1  
        elif A[m - 1] >= x:  
            j = m - 1  
        else:  
            return m
```

complessità $O(\log n)$

Esercizio 4 svolto

```
def stampaInteri(A,x,k):
    s = trovaCrossOver(A, x)
    d=s+1; count=0
    if A[s]==x: s-=1
    while s>=0 and d<len(A) and count<k:
        if x-A[s]<A[d]-x:
            print(A[s], end=' ');s -=1
        else:
            print(A[d], end=' ');d+=1
        count+=1
    while count<k and s>=0:
        print(A[s], end=' '); s -=1; count+=1
    while count<k and d<len(A):
        print(A[d], end=' '); d +=1; count+=1
```

```
>>> A=[12, 16, 22, 30, 35, 39, 42, 45, 48, 50, 53, 55, 56]
```

```
>>> stampaInteri(A,35,4)
```

```
39 30 42 45
```

Esercizio 5

Diciamo che un vettore di interi distinti è k – ordinato se ogni elemento del vettore si trova a distanza al più k dalla sua posizione corretta (vale a dire quella che assumerebbe se il vettore venisse ordinato).

Ad esempio:

il vettore $A = [10, 9, 8, 7, 4, 70, 60, 50]$ è 4-ordinato (basta ordinarlo per rendersene conto) mentre il vettore $B = [6, 5, 3, 2, 8, 10, 9]$ è 3-ordinato

Progettare un algoritmo di ordinamento che dato un vettore A k – ordinato di n interi e l'intero k ordina A .

La complessità dell'algoritmo deve essere $O(n \log k)$.

Esercizio 5 svolto

Possiamo ordinare il vettore utilizzando un vettore d'appoggio B ed un heap minimo H che contiene in ogni momento al più k elementi.

- 1. all'inizio H contiene i primi k valori di A e il vettore B è vuoto.*
- 2. seguono $n - k$ passi in cui al passo i estraiamo il minimo da H , lo posizioniamo nella prima posizione libera di B (finisce in $B[i - 1]$) lo rimpiazziamo in H con l'elemento di $A[i]$ di A .*
- 3. seguono k passi finali in cui estraiamo uno ad uno i minimi dall'heap H e li andiamo ad inserire in B nelle posizioni rimanenti da sinistra verso destra.*
- 4. riversiamo infine gli elementi di B in A .*

Esercizio 5 svolto

1. all'inizio H contiene i primi k valori di A e il vettore B è vuoto.
2. seguono $n - k$ passi in cui al passo i estraiamo il minimo da H , lo posizioniamo nella prima posizione libera di B (finisce in $B[i - 1]$) lo rimpiazziamo in H con l'elemento di $B[i - 1]$ di A .
3. seguono k passi finali in cui estraiamo uno ad uno i minimi dall'heap H e li andiamo ad inserire in B nelle posizioni rimanenti da sinistra verso destra.
4. riversiamo gli elementi di B in A .

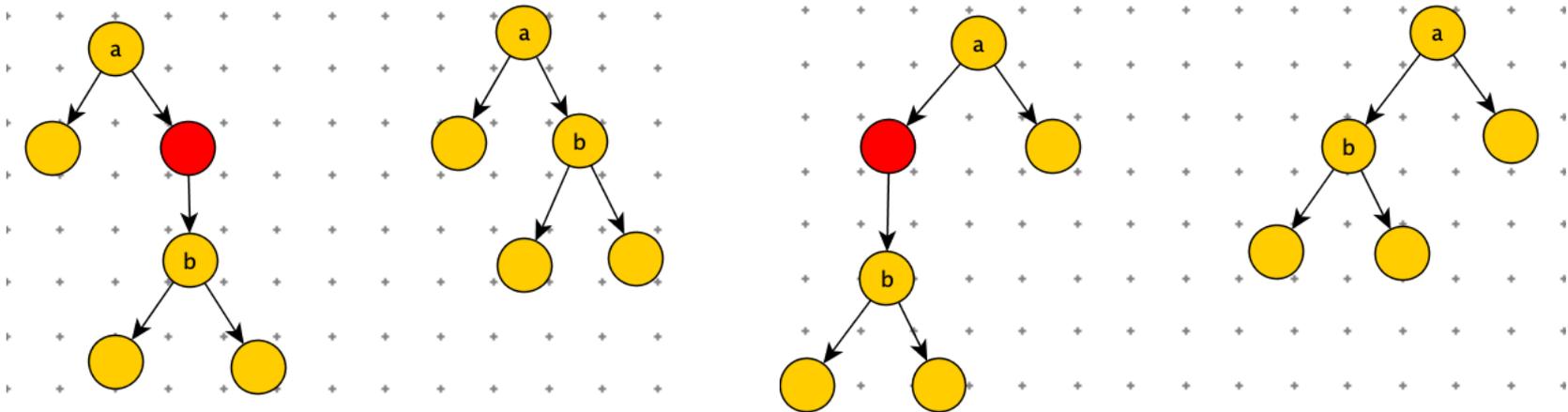
1. il passo 1 richiede tempo $O(k)$ per costruire H e $O(n)$ per inizializzare B .
2. Ciascuno degli $n - k$ step del passo 2 richiede $O(\log k)$ tempo per l'estrazione del minimo da H ed $O(\log k)$ tempo per l'inserimento del nuovo elemento in H .
3. Ciascuno dei k step del passo 3 richiede $O(\log k)$ per l'estrazione dell'elemento da H .
4. Il passo 4 richiede tempo $O(n)$.

Il costo dell'algoritmo è :

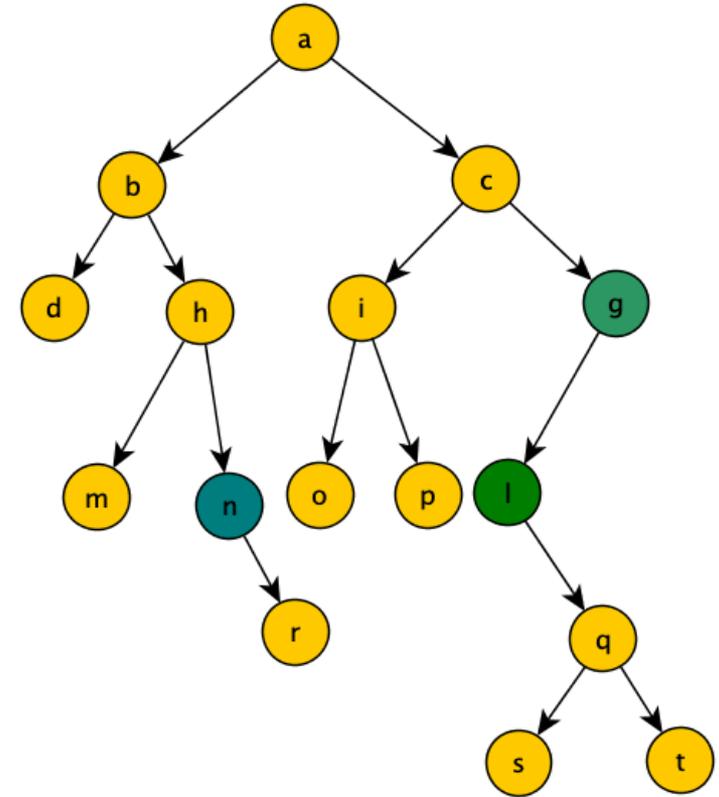
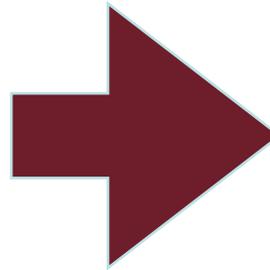
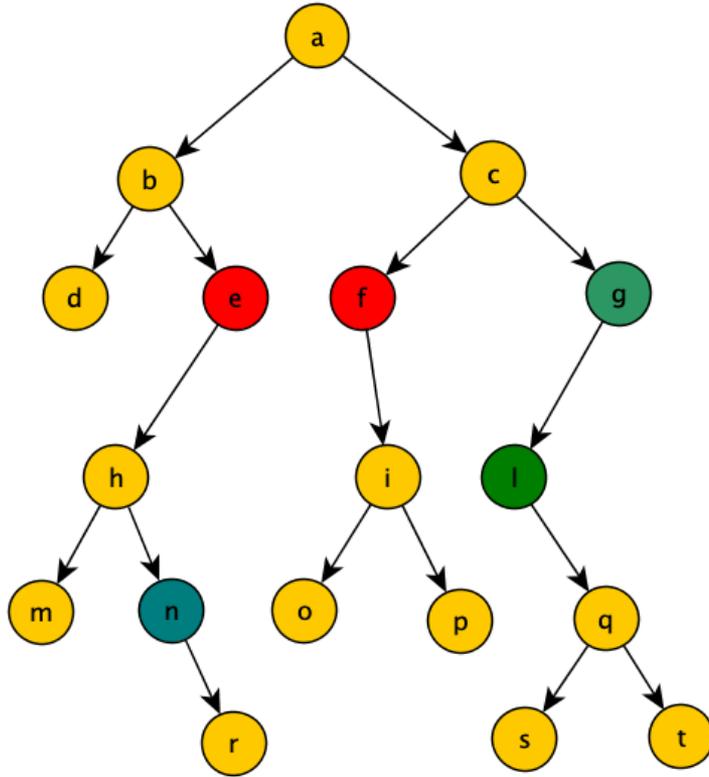
$$O(k) + O(n) + (n - k) \cdot O(\log k) + kO(\log k) + O(n) = O(n \log k)$$

Esercizio 6

Scrivere una funzione che dato in input un albero binario A , con n chiavi cancella tutti i nodi interni x con un solo figlio che hanno sia il padre che il figlio dotati di due figli. La cancellazione del nodo x avviene sostituendo il puntatore dal padre di x ad x con un puntatore al figlio di x . Assumete che l'albero sia memorizzato tramite nodi e puntatori e che ogni nodo abbia anche il puntatore al padre. La procedura deve avere complessità $O(n)$.



Esercizio 6 esempio:



Esercizio 6 svolto:

```
def cancella(x):
    if not x or (not x.left and not x.right) : #x non ha figli
        return
    if x.left and x.right: #x ha due figli
        cancella(x.left)
        cancella(x.right)
        return
    if x.left and not x.right:
        p=x.left
    else:
        p=x.right
# p e' l'unico figlio di x
    cancella(p)
    if parent and parent.left and parent.right and p.left and p.right:
        #il padre ed il figlio di x hanno due figli
        if parent.left==x:
            parent.left=p
        else:
            parent.right=p
```

Esercizio 7

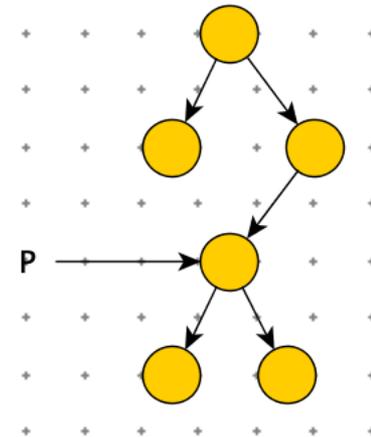
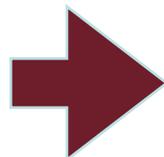
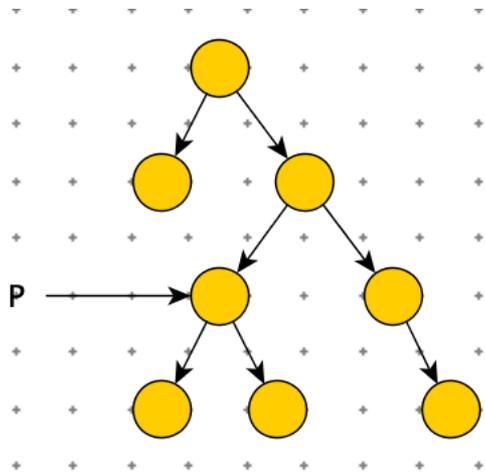
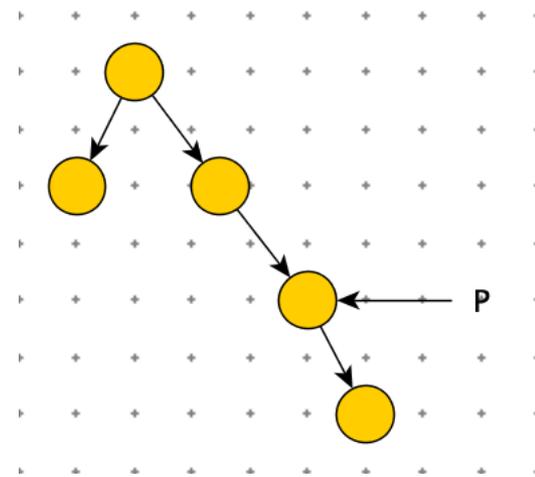
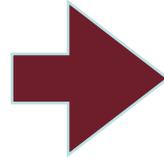
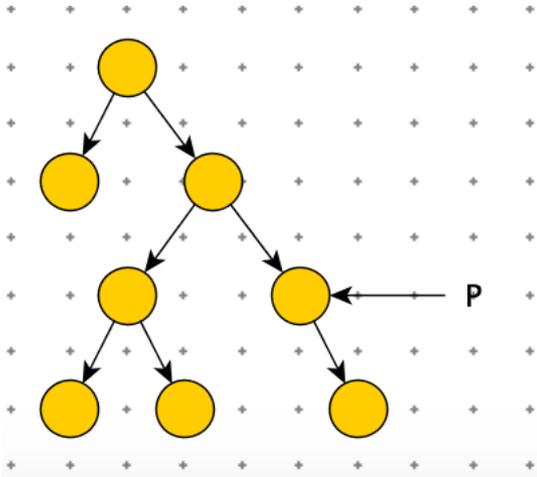
Abbiamo un albero binario di ricerca ed un suo nodo x . Vogliamo cancellare dall'albero l'eventuale nodo y fratello di x e tutti i nodi contenuti nel sottoalbero radicato in y .

Progettare una funzione `cancel` che risolva il problema nel caso in cui:

- 1.L'albero e' rappresentato tramite nodi e puntatori dove ogni nodo ha anche il puntatore al padre ed alla funzione `parent` viene fornito il puntatore all'albero ed il puntatore al nodo x .*
- 2.L'albero e' rappresentato con notazione posizionale e alla funzione `parent` viene passato il vettore A e l'indice i di A in cui si trova la chiave del nodo x .*

In entrambi i casi la procedura deve avere complessità $O(n)$ dove n è il numero di nodi presenti nell'albero.

Esempio d'esecuzione procedura 7.1

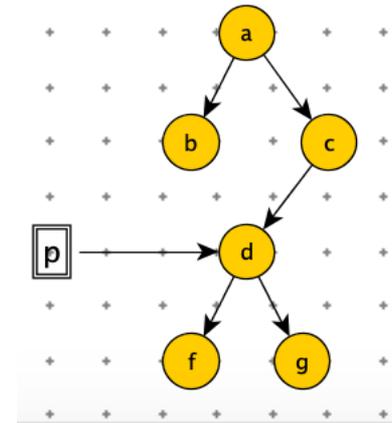
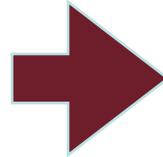
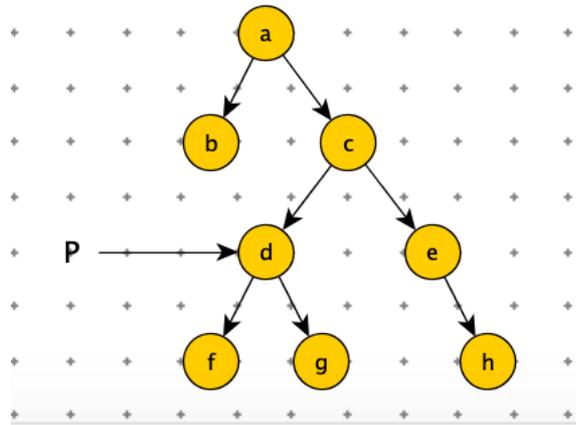


Esercizio 7.1

```
def cancella(p):  
    if p.parent==None:  
        return  
    if p.parent.left==p:  
        p.parent.right=None  
    else:  
        p.parent.right=None
```

Nota: alla cancellazione dei nodi dell'eventuale sottoalbero da cancellare pensa il garbage collection di python che elimina tutti i nodi che non sono puntati da nulla.

Esempio di esecuzione procedura 7.2



0 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 11 12 13 14

a	b	c		-	d	e	-	-	-	-	f	g	-	h
---	---	---	--	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---



0 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 11 12 13 14

a	b	c		-	d	-	-	-	-	-	f	-	-	-
---	---	---	--	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---

Esercizio 7.2

```
def cancella1(A, i):
    if i==0:
        return
    p=(i-1)//2
    if 2*p+1=i:
        y=2*p+2
    else:
        y=2*p+1
    if y< len(A) and A[y]!='-': cancellaR(A, y)
```

```
def cancellaR(A, y):
    if 2*y+1<len(A) and A[2*y+1]!='-':
        cancellaR(A, 2*y+1)
    if 2*y+2<len(A) and A[2*y+2]!='-':
        cancellaR(A, 2*y+2)
    A[y]='-'
```

Esercizio 8

Progetta un algoritmo che dato un vettore A con n interi ed un intero x determina se nel vettore esistono due interi la cui somma è x .

L'algoritmo deve avere complessità $\Theta(n \log n)$.

Ad esempio:

- Per $A = [0, -1, 2, -3, 1]$ e $x = -2$ l'algoritmo restituisce *True* (basta infatti considerare i due elementi -3 e 1).
- Per $A = [1, -2, 1, 0, 5]$ e $x = 0$ l'algoritmo restituisce *False*

Esercizio 8 svolto

IDEA:

Ordino il vettore A ed uso due indici i e j , inizializzati al primo ed all'ultimo elemento del vettore, rispettivamente.

i e j scorrono il vettore da sinistra a destra il primo e da destra a sinistra il secondo fino ad incontrarsi o a trovare la coppia cercata.

Ad ogni step si considera $A[i] + A[j]$:

- se $A[i] + A[j] = x$ l'algoritmo termina con *True*
- se $A[i] + A[j] < x$ viene incrementato i
- se $A[i] + A[j] > x$ viene decrementato j

A. La prima parte dell'algoritmo richiede $\Theta(n \log n)$ tempo utilizzando un qualunque algoritmo d'ordinamento efficiente.

B. La seconda parte esegue al più n passi, e richiede dunque tempo $O(n)$.

La complessità dell'algoritmo è dunque $\Theta(n \log n)$

La correttezza dell'algoritmo segue da questa osservazione:

ad ogni passo, grazie al fatto che il vettore è ordinato siamo sicuri che l'elemento scartato a seguito della variazione del puntatore non può appartenere ad alcuna coppia la cui somma dia x

Esercizio 8 svolto

```
def cercaCoppia (A, x) :  
    A.sort ()  
    i, j=0, len (A) -1  
    while i<j:  
        if A[i]+A[j]==x: return True  
        if A[i]+A[j]<x:  
            i+=1  
        else:  
            j-=1  
    return False
```

```
|>>> cercaCoppia([0, -1, 2, -3, 1], -2)  
True  
>>> cercaCoppia([1, -2, 1, 0, 5], 0)  
False
```

Esercizio 9

Progettare un algoritmo che dati i puntatori p e q a due liste di interi verifica se la prima lista possa ottenersi dalla seconda cancellando eventualmente dei nodi.

L'algoritmo deve avere complessità $O(m)$ dove m sono i nodi della seconda lista.

Ad esempio:

Per

$p \rightarrow 1 \rightarrow 2 \rightarrow 3 \rightarrow 4$ e

$q \rightarrow 5 \rightarrow 1 \rightarrow 2 \rightarrow 1 \rightarrow 2 \rightarrow 3 \rightarrow 5 \rightarrow 6 \rightarrow 4$

l'algoritmo risponde *True*

(basta considerare gli elementi in rosso e cancellare gli altri $5 \rightarrow 1 \rightarrow 2 \rightarrow 1 \rightarrow 2 \rightarrow 3 \rightarrow 5 \rightarrow 6 \rightarrow 4$)

Per

$p \rightarrow 1 \rightarrow 2 \rightarrow 3 \rightarrow 4$ e

$q \rightarrow 1 \rightarrow 2 \rightarrow 2 \rightarrow 1 \rightarrow 4 \rightarrow 5 \rightarrow 6 \rightarrow 3 \rightarrow 2$

l'algoritmo risponde *False*

Esercizio 9 svolto

IDEA:

Uso i due puntatori p e q per scorrere le due liste:

Se le chiavi puntate da p e q coincidono allora ho trovato un elemento della prima lista ed “incremento” quindi i puntatori di entrambe le liste.

Se al contrario le chiavi non coincidono allora “incremento” il solo puntatore della seconda lista.

Termino con *True* se giungo al termine della prima lista mentre termino con *False* se giungo al termine della seconda lista senza aver terminato la prima.

Complessità: Ad ogni passo il puntatore della seconda lista si incrementa quindi la complessità è $O(m)$

Esercizio 9 svolto

```
def es(p, q):  
    while p and q:  
        if p.key==q.key:  
            p=p.next  
            q=q.next  
        else: q=q.next  
    if p: return False  
    return True
```

Esercizio 9 svolto. Esempio di esecuzione della procedura es()

```
class Nodo:
    def __init__(self, key=None, next=None):
        self.key = key
        self.next = next

>>>p=Nodo(1); p.next=Nodo(2); p.next.next=Nodo(3); p.next.next.next=Nodo(4)

>>>t=Nodo(1); t.next=Nodo(2); t.next.next=Nodo(4); t.next.next.next=Nodo(3)

>>>q=Nodo(5); q.next=Nodo(1); q.next.next=Nodo(2);
>>>q.next.next.next=Nodo(1)
>>>q.next.next.next.next=Nodo(2);
>>>q.next.next.next.next.next=Nodo(3)
>>>q.next.next.next.next.next.next=Nodo(5)
>>>q.next.next.next.next.next.next.next=Nodo(6)
>>>q.next.next.next.next.next.next.next.next=Nodo(4)

>>> es(p,t)
False
>>> es(p,q)
True
```