

# *Limiti inferiori e algoritmi ottimi*

corso di laurea in **Matematica**

*Informatica Generale*, Lezione **7(b)**

**Ivano Salvo**



**SAPIENZA**  
UNIVERSITÀ DI ROMA

# Limiti inferiori

Abbiamo visto 3 algoritmi che ordinano un vettore in tempo  $\theta(n^2)$ .  
Sorge spontanea la domanda: è il **meglio che si può fare**?

Le possibili risposte sono:

- **NO**: in tal caso è sufficiente **esibire un algoritmo** che ha una complessità **migliore** (sotto le stesse assunzioni)
- **SI**: in tal caso è necessario **dimostrare** che **nessun algoritmo** risolve il problema **con meno operazioni**.

Nel secondo caso, stabiliamo un **limite inferiore** al **problema**. Un **qualsiasi algoritmo**, invece, stabilisce un **limite superiore**.

Se conosciamo un algoritmo  $\mathcal{A}$  che ha **complessità uguale al limite inferiore** del problema che risolve, diremo che  $\mathcal{A}$  è **ottimo**.

Dovrebbe essere intuitivo che calcolare i limiti inferiori “stretti” in generale è difficile, e spesso trattasi problemi aperti.

# Ordinamento: spazio delle soluzioni

Vedremo di stabilire un **limite inferiore** dell'ordinamento e poi vedremo un **algoritmo ottimo**. Cos'è il risultato di ordinamento?

Una **permutazione**  $v'$  di un vettore  $v$ , che soddisfa la proprietà di essere ordinato,  $\text{Asc}(v')$ .

Quindi, in un certo senso, un algoritmo di ordinamento individua **l'unica permutazione ordinata** tra le  $n!$  permutazioni di un vettore con  $n$  elementi.

Quali strumenti usano gli algoritmi visti finora per "scegliere" la permutazione? Essenzialmente **confrontano** gli elementi e sulla base del risultato (eventualmente) **spostano** degli elementi. Gli algoritmi visti finora e i prossimi, sono detti **basati su confronti**.

Possiamo quindi immaginare un **algoritmo di ordinamento** come una **ricerca** di un elemento **nello spazio** di tutte le possibili **soluzioni**, che sono le **permutazioni** di un vettore.

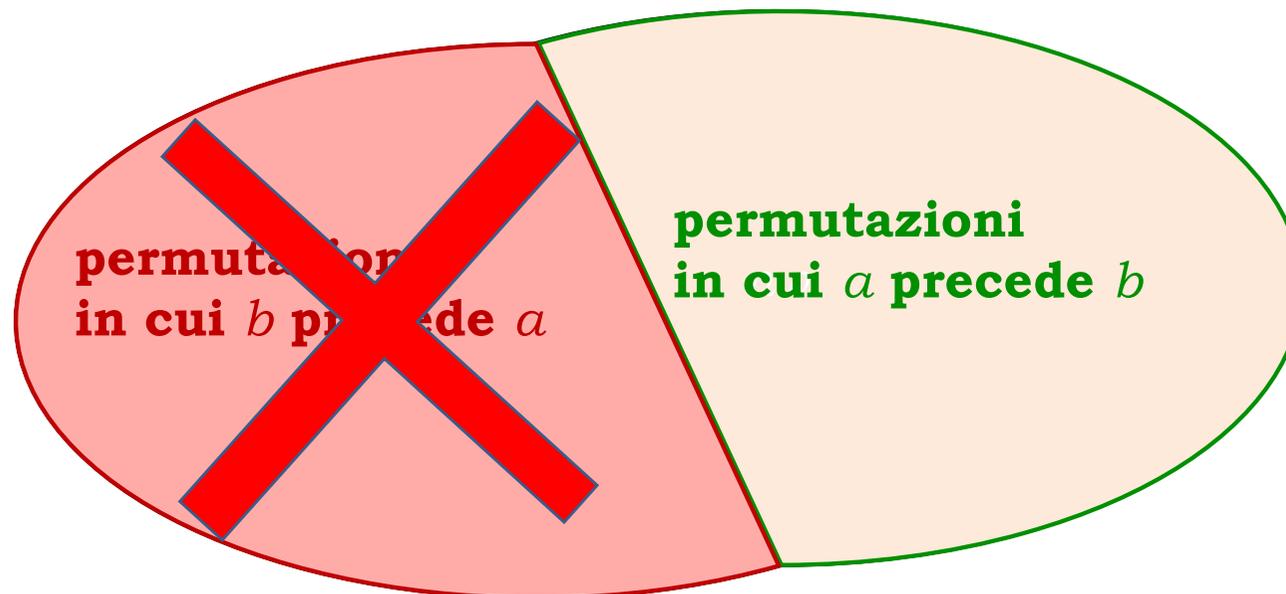
# *Che informazione mi dà un confronto*

**Domanda:** Qual è il **massimo progresso** che possiamo sperare di ottenere confrontando due valori  $a$  e  $b$  in un vettore?

**Risposta:** Sapendo  $a < b$  possiamo **dividere in due** lo spazio delle soluzioni: le **permutazioni buone B** in cui  **$a$  viene prima di  $b$**

e le **permutazioni cattive C**, in cui il **valore  $a$  viene dopo di  $b$** .

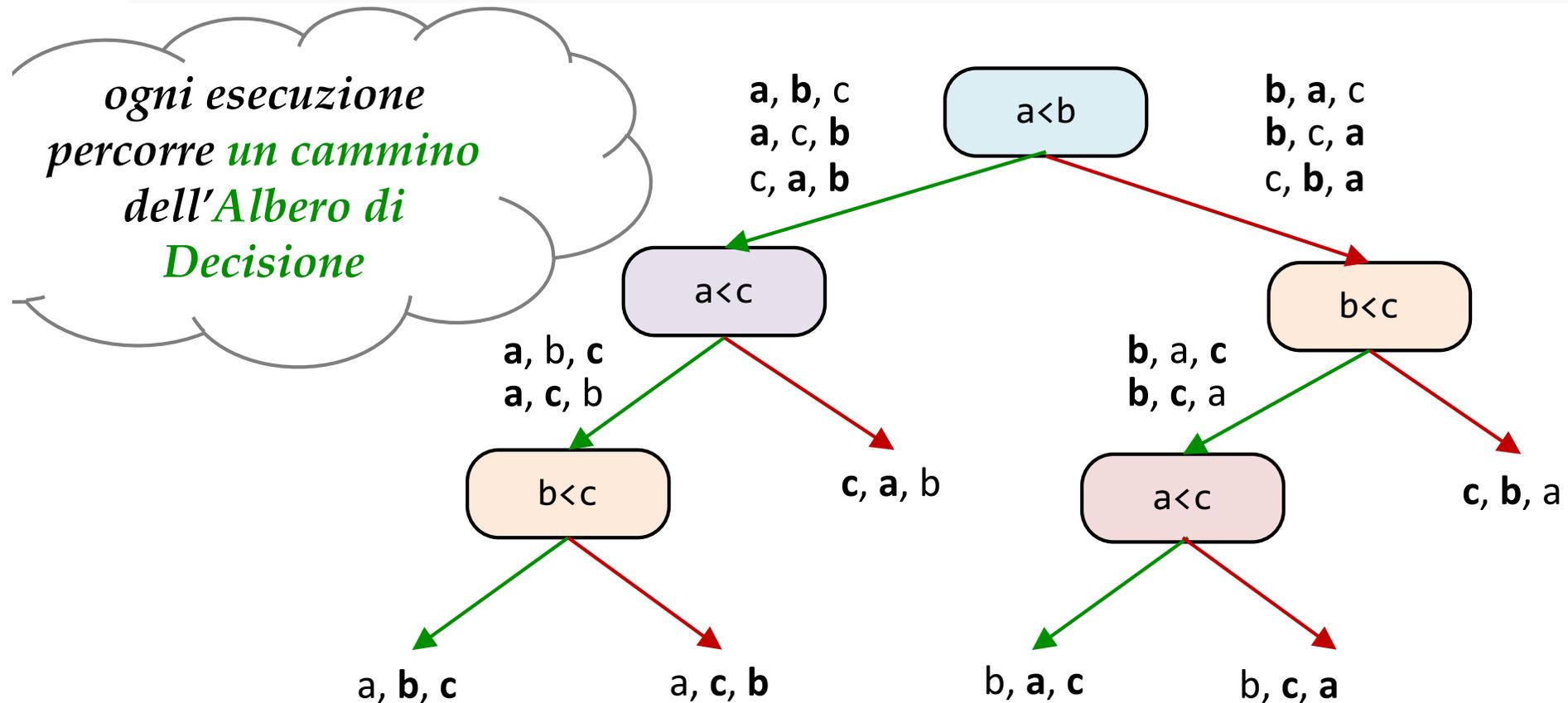
A quel punto possiamo immaginare di **continuare la ricerca su B**.



# Esempio: ordinamento di 3 numeri

Vediamo come un ordinamento potrebbe “cercare” la permutazione giusta tra tutte le  $3! = 6$  permutazioni di tre valori.

Albero di decisione dell’algoritmo di massimo di 3 numeri, che è chiaramente ottimo. Assomiglia a una **ricerca binaria**.



# Limite inferiore per l'ordinamento

Come nella ricerca binaria, un **algoritmo ottimo**, almeno in **linea di principio**, potrebbe percorrere **un solo cammino** nell'albero delle scelte e dirigersi senza indugi verso la **permutazione ordinata**.

Oltre alla ricerca binaria, può essere utile ricordare che l'**altezza** di un **albero binario bilanciato** è **logaritmica** rispetto al numero delle **foglie**. Di conseguenza, possiamo dire che il problema è  $\theta(\log_2 n!)$ .

Abbiamo già visto che  $\left(\frac{n}{2}\right)^{\frac{n}{2}} \leq n! \leq n^n$  e applicando i logaritmi questo implica:  $\log n! = \Omega(n \log n)$ . Abbiamo dimostrato il seguente:

► **Teorema:** *Ogni algoritmo di ordinamento basato su confronti è  $\Omega(n \log n)$ .*

La complessità degli algoritmi di ordinamento che abbiamo visto è  $\theta(n^2)$  quindi **maggiore del limite inferiore** che abbiamo appena stabilito per l'ordinamento  $\Omega(n \log n)$ .

Nel seguito vedremo un **algoritmo ottimo**.

# Riflessioni generali

L'**ordinamento** pare essere un problema **più che lineare**:

Supponiamo di avere un algoritmo  $\mathcal{A}$  che si risolve un certo problema in esattamente  $an^2$  passi per una certa costante  $a$ .

Supponiamo che sia possibile suddividere risolvere il problema in  $k > 1$  sotto-istanze e che combinare i risultati costi  $bn$  ( $b$  costante).

Dividiamo un'istanza in  $k$  sotto-istanze e poi le ricombiniamo.  
Come cambia la complessità?

$$k a \left(\frac{n}{k}\right)^2 + bn = a \frac{n^2}{k} + bn$$

facciamo un progresso per **la costante moltiplicativa**  $k$  (per  $n$  sufficientemente grandi, quando il  $n^2 \gg n$ ).

Ma se ripetiamo il processo finché possibile, fino a raggiungere istanze del problema **elementari** in tempo costante?

Forse la ricorsione può aiutarci....

# Divide et impera

Supponiamo di riuscire a **suddividere** l'istanza  $I$  di un problema in  $k$  **sotto-istanze**  $I_1, I_2, \dots, I_k$  ( $k > 1$  costante fissata, spesso  $k = 2$ ) e di riuscire a calcolare "**facilmente**" la soluzione  $s$  di  $I$ , a partire dalle soluzioni  $s_1, s_2, \dots, s_n$  delle istanze  $I_1, I_2, \dots, I_n$ .

Potremo pensare alla seguente procedura ricorsiva.

Ovviamente il **successo** di questa strategia **dipende** dal **costo di divisione** e **ricombinazione** rispetto al costo del problema originale.

```
def risolvi(I):  
    if elementare(I): # caso base/elementare  
        return risolviElementare(I)  
     $I_1, \dots, I_k = \text{dividi}(I)$  # dividi  
    forall  $i \in [1, k]$  :  
         $s_i = \text{risolvi}(I_i)$  # impera  
     $s = \text{ricombina}(s_1, \dots, s_k)$  # ricombina  
    return s
```

# Ordinamento Div&Imp: mergeSort

[John von Neumann, 1945, pubblicato 1948]

(1) **Istanze elementari:** un vettore lungo 1 oppure 0 è **già ordinato**.

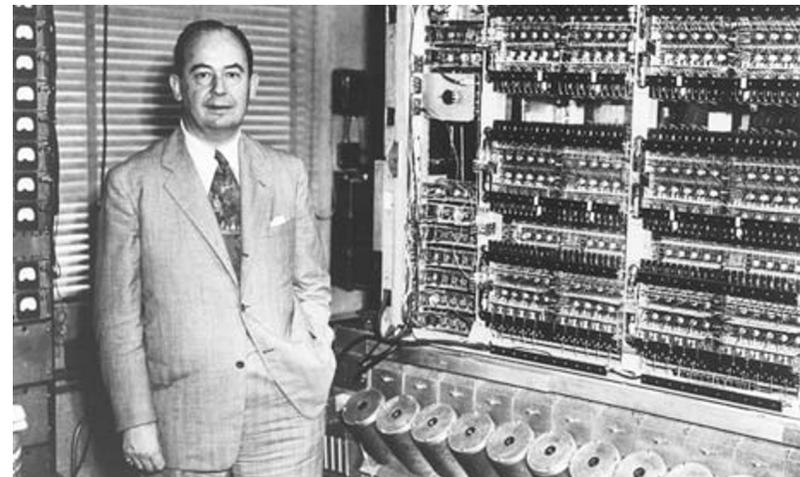
(2) **Divisione:** possiamo banalmente dividere un vettore  $v[inf, sup)$  in due metà  $v[inf, m)$  e  $v[m, sup)$  semplicemente calcolando il punto medio  $m$  tra  $inf$  e  $sup$ .

(3) **Soluzione sottoistanze:** lo so fare per ipotesi induttiva ☺

(4) **Ricombinazione (Impera):** dati due vettori ordinati, quanto è difficile produrre un vettore ordinato con gli elementi di entrambi?

L'attività (4) è l'unica non banale, ma dovrebbe ricordarvi un problema analogo, il problema dei Punti Coincidenti.

```
def mergeSort(v, inf, sup):  
    if sup-inf > 2:  
        # v[inf, sup) ha almeno 2 elem.  
        m = puntoMedio(inf, sup)  
        mergeSort(v, inf, m)  
        mergeSort(v, m, sup)  
        fondi(v, inf, m, sup)
```



# Fusione ordinata: specifiche

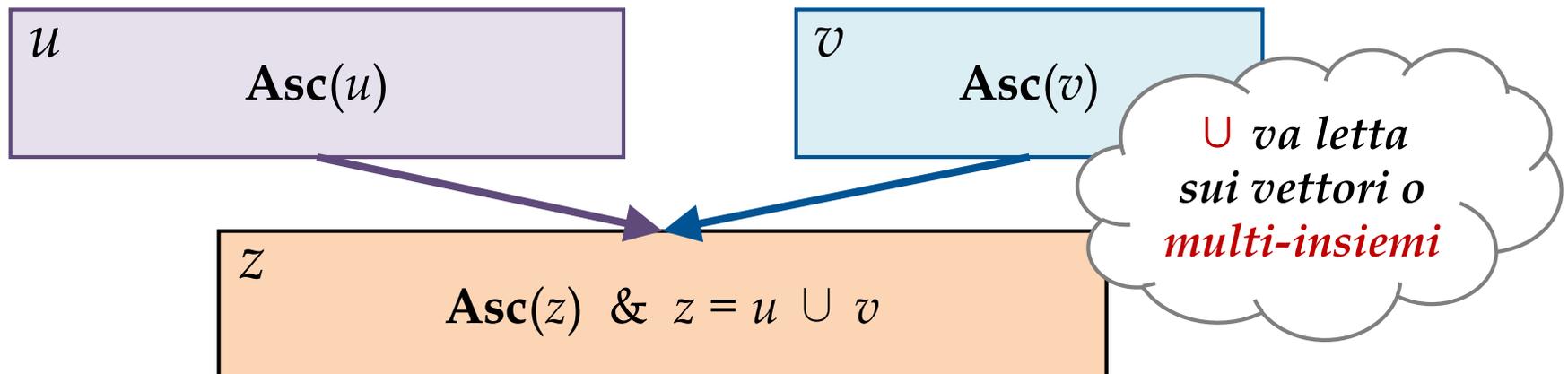
Come spesso accade, è conveniente scrivere una funzione più generica, che **fonde due vettori ordinati**  $u$  e  $v$  in un terzo **vettore ordinato**  $z[0, p)$  con  $p = m+n$ .

Le **precondizioni** sono  $\text{Asc}(u[0, m)) \ \& \ \text{Asc}(v[0, n)) \dots$

e vogliamo assicurare la **post-condizione**:

$$\text{Asc}(z[0, p)) \ \& \ z[0, p) = u[0, m) \cup v[0, n) \ \& \ p=m+n$$

Questo problema presenta profonde **analogie** con il problema di calcolare il **numero dei punti coincidenti** (caso ordinato) con una principale differenza: quando il vettore  $u$  (risp.  $v$ ) termina prima di  $v$  (risp.  $u$ ) **occorre ricopiare** quanto rimane di  $v$  (risp.  $u$ ) in  $z$ .



# Fusione ordinata: asserzioni

**Indebolimento:** assumendo un **processo iterativo** di scorrimento dei vettori  $u$  e  $v$ , e introducendo **3 variabili**  $i, j$  e  $k$  per scorrere i 3 vettori, a una generica iterazione vogliamo soddisfare la condizione:

$\varphi(i, j, k) \equiv z[0, k) = u[0, i) \cup v[0, j)$       ( $k$  elementi in  $z$  presi da  $u$  e  $v$ )

& **Asc**( $z[0, k)$ )      (in  $z$  sono **ordinati**)

&  $z[0, k) \leq u[i, m) \cup v[j, m)$       (e sono **minori dei rimanenti**)

dove  $i < m$  e  $j < n$  e di conseguenza anche  $i + j = k < p = m + n$ .

$\varphi(i, j, k)$  implica l'asserzione desiderata per  $i = m$  &  $j = n$   
(necessariamente da  $z[0, k) = u[0, i) \cup v[0, j)$  ho anche  $k = i + j$ )

...ed è banalmente verificata per  $i = j = k = 0$ .

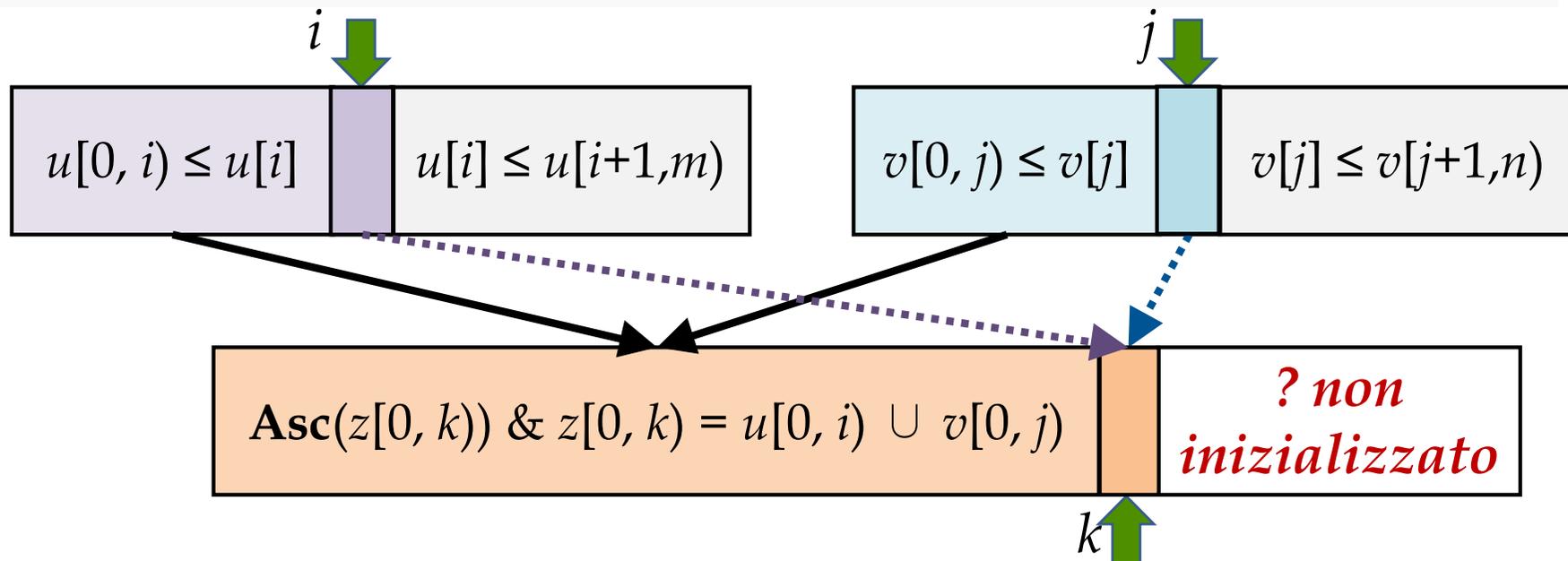
Abbiamo quindi le **inizializzazioni** e una **possibile guardia** (ma occorre capire cosa fare quando si finisce di copiare  $u$  o  $v$ )

# Funzione merge: passo generico

Confronto  $u[i]$  e  $v[j]$ :

- se  $u[i] \leq v[j]$  allora  $u[i]$  è anche  $\min(u[i,m) \cup v[j, n))$  e ricordando  $u[i] \geq z[0, k)$  lo ricopio in  $z$ , assicurando  $\text{Asc}(z[0, k+1))$ , e quindi avanzo su  $u$  (incrementando  $i$ ) e su  $z$  (incrementando  $k$ )
- se  $u[i] \geq v[j]$  allora  $v[j]$  è anche  $\min(u[i,m) \cup v[j, n))$  e ricordando  $v[j] \geq z[0, k)$  lo ricopio in  $z$  e avanzo su  $v$  (incrementando  $j$ ) e su  $z$  (incrementando  $k$ )

Quindi il  $\min\{u[i], v[j]\}$  è il **minimo dei non ricoperti** di  $u$  (resp.  $v$ ).



# Fusione ordinata: pseudocodice

L'ultima osservazione è che le operazioni descritte prima si possono fare finché entrambi i vettori non sono finiti, cioè finché  $i < sup$  e  $j < inf$ , **altrimenti** il confronto  $u[i] \leq v[j]$  **non ha senso**.

Dopodiché è sufficiente **ricopiare la coda** del vettore non terminato.

► **Esercizio**: scrivere *merge* in modo che non sia necessario "ricopiare le code" (occorre fare tutto nel ciclo principale - **attenzione alle condizioni!**). **C'è vantaggio?**

```
def merge(u, infu, supu, v infv, supv, z, infz):
    i, j, k = infu, infv, infz
    while i < supu and j < supv:
        if u[i] ≤ v[j]: z[k], i = u[i], i+1
            else: z[k], j = v[j], j+1
        k = k + 1
    # F: i = supu or j = supv
    while i < supu: z[k], k, i = u[i], k+1, i+1
    while j < supv: z[k], k, j = v[j], k+1, j+1
```

si entra **sempre**  
in **uno solo** dei  
due **while finali**

# Analisi di mergeSort

Analizziamo la complessità dell'algoritmo **ricorsivo**, versione base, tanto gli altri **non migliorano la complessità asintotica** (anche se possono essere **molto più efficienti**).

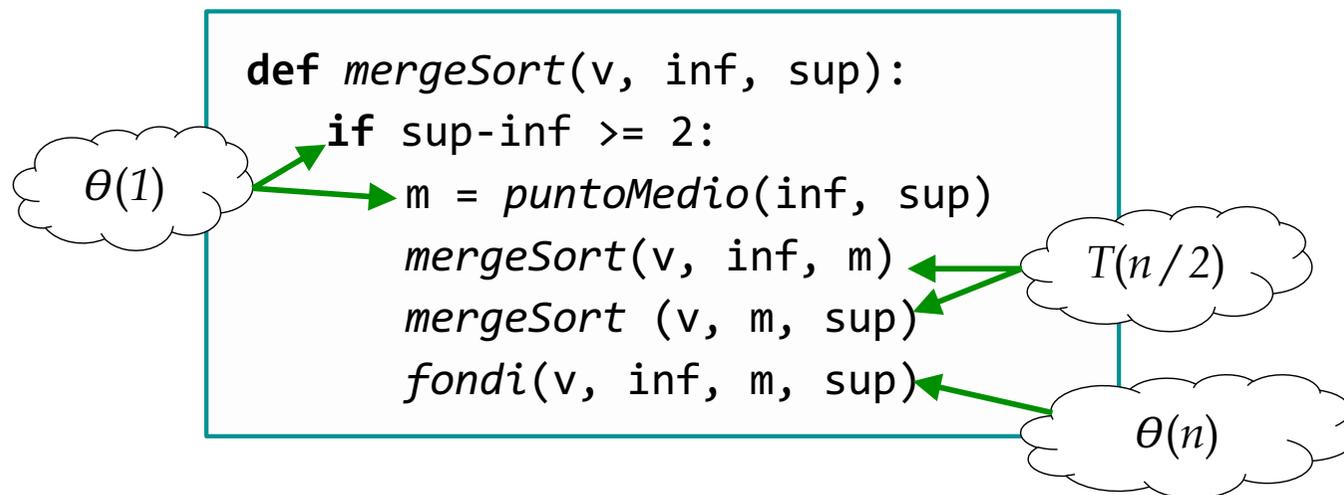
Divisione e caso base sono chiaramente costanti.

Sappiamo che la **fusione è lineare** e chiamando  $n = \text{sup} - \text{inf} \dots$

Infine, detta  $T(n)$  la complessità di mergeSort, le due **chiamate ricorsive** avranno ovviamente complessità  $T(n/2)$ .

Abbiamo quindi la **relazione di ricorrenza**:

$$T(n) = 2T(n/2) + \theta(n) \quad T(1) = \theta(1)$$



# Review: metodo iterativo

Risolviamo l'equazione con il **metodo iterativo**:

$$\begin{aligned}T(n) &= 2 T(n/2) + \theta(n) = \\&= 2[2T(n/2^2) + \theta(n/2^1)] + \theta(n/2^0) = \\&= 2[2[2T(n/2^3) + \theta(n/2^2)] + \theta(n/2^1)] + \theta(n/2^0) = \\&= 2^3 T(n/2^3) + 2^2 \theta(n/2^2) + 2^1 \theta(n/2^1) + 2^0 \theta(n/2^0) = \\&\dots \text{ (si "srotola" fino a una } \mathbf{\text{forma generale}} \text{)} \\&= 2^k T(n/2^k) + \sum_{i=0}^{k-1} 2^i \theta\left(\frac{n}{2^i}\right)\end{aligned}$$

**fino** a  $2^k = n$ , cioè  $k = \log_2 n$ . Sapendo che  $2^{\log_2 n} = n$  ottenendo:

$$\begin{aligned}T(n) &= n \theta(1) + \sum_{i=0}^{\log_2 n - 1} 2^i \theta\left(\frac{n}{2^i}\right) = \\&= \theta(n) + n \sum_{i=0}^{\log_2 n - 1} \theta\left(\frac{2^i}{2^i}\right) = \\&= \theta(n) + n \sum_{i=0}^{\log_2 n - 1} \theta(1) = \\&= \theta(n) + \theta(n \log_2 n) = \theta(n \log_2 n).\end{aligned}$$

*"pericolosi"  
movimenti di  
costanti dentro  
e fuori  $\theta$ !!!*